



Instytut Centrum Zdrowia Matki Polki w Łodzi  
III Klinika Pediatrii  
ul. Rzgowska 281/289, 93-338 Łódź



## Projekt PL00270

### *„Zakażenia prenatalne i perinatalne ludzkim wirusem cytomegalii”*

*Wsparcie udzielone przez Norwegię poprzez dofinansowanie ze środków  
Norweskiego Mechanizmu Finansowego*

Od stycznia 2009 roku wielośrodkowo realizowany jest Projekt PL0270 „Zakażenia prenatalne i perinatalne ludzkim wirusem cytomegalii” ze środków Mechanizmu Finansowego EOG i Norweskiego Mechanizmu Finansowego oraz środków budżetu państwa na naukę.

Projekt badawczy koordynowany jest przez Centrum Biologii Medycznej PAN w Łodzi i realizowany w partnerstwie z wiodącymi ośrodkami w Norwegii.

III Klinika Pediatrii z Instytutu „Centrum Zdrowia Matki Polki” w Łodzi jest partnerem w projekcie. Jednostkami współpracującymi w projekcie są także Instytut Pomnik Centrum Zdrowia Dziecka w Warszawie, Uniwersytet Jagielloński Collegium Medicum w Krakowie.

Ludzki wirus cytomegalii (HCMV) jest najczęstszym czynnikiem etiologicznym zakażeń wewnątrzmacicznych, które dotyczą ok. 0,3 – 3% wszystkich noworodków. HCMV jest również ważnym patogenem oportunistycznym u osób z obniżoną odpornością. W grupie dzieci zakażonych, u 10% po urodzeniu występują objawy choroby wtórnej, u 90% zakażenie przebiega bezobjawowo, jednakże w tej grupie, u 10% obserwuje się późne następstwa- głuchotę, zaburzenia psychomotoryczne, upośledzenie rozwoju umysłowego. Wraz z rozwojem biologii molekularnej nastąpił wzrost wykrywalności wrodzonych i nabytych zakażeń HCMV. W chwili obecnej brak szczepionki uniemożliwia podjęcie działań profilaktycznych, a równocześnie terapia przeciwwirusowa nie jest stosowana u kobiet ciężarnych.

Badania ostatnich lat sugerują wpływ zmienności genetycznej wirusa na jego wirulencję i patogenność.

W ramach projektu zaplanowane jest m. in. genotypowanie szczepów klinicznych CMV izolowanych od dzieci z wrodzonym i nabytym zakażeniem HCMV oraz badanie korelacji między genotypem a patogennością danego szczepu klinicznego HCMV.

Oczekiwany celem praktycznym projektu jest możliwość prognozowania ryzyka i postaci wrodzonych zakażeń CMV u noworodków na podstawie genotypów wirusa i wybranych parametrów odporności wrodzonej.